



报告人: Richard M. Myers, Ph.D.

President and Science Director

The HudsonAlpha Institute for Biotechnology

主持人: 张超

时 间: 2018年12月17日(周一) 10:00-11:00

地 点: 医学楼二楼报告厅

- 理查德·迈尔斯 (Richard M. Myers) 博士于1977年在阿拉巴马大学获得生物化学学士学位, 于1982年在加州大学伯克利分校 (UC Berkeley) 获得生物化学博士学位。在哈佛大学 (Harvard University) 完成了博士后研究之后, 迈尔斯在1986年最为年轻的教授加入了UCSF医学中心, 并于1993年加入斯坦福大学 (Stanford University) 担任教授和遗传学系主任。在迈尔斯的领导下, 斯坦福人类基因组测序中心在公共人类基因组计划中贡献了超过10%的数据。迈尔斯已在 *Nature*, *Science*, *Cell*, *Nature Genetics*, *Nature Medicine*, *PNAS*, *Genome Research* 等国际知名期刊发表了300多篇研究文章。迈尔斯作为领导者之一, 主持了由美国国家人类基因组研究所资助的人类ENCODE研究项目(The ENCYClopedia Of DNA Elements)。迈尔斯博士在遗传学和基因组学方面拥有35年的研究经验, 于2008年加入HudsonAlpha生物技术研究所, 担任校长级总裁兼科学总监。迈尔斯为研究所的制定战略方向, 同时领导一个大型的科研实验室。现担任*Genome Research*编辑, UAB-HudsonAlpha基因组医学中心主任, 李嘉诚健康科学研究所, 香港中文大学以及多家生物技术和生物医药公司的科学顾问委员会成员, 自2007年以来一直任美国国立卫生研究院国家人类基因组研究所(NIH-NHGRI)人类基因组委员会成员。
- 迈尔斯实验室与HudsonAlpha和其他研究人员合作开发了用于发现, 描述, 鉴定, 分析和理解我们基因组中所编码的功能元件的计算生物学和统计学工具, 以及它们如何在正常和病理条件下在分子水平上协同工作。迈尔斯实验室使用超高通量的DNA测序技术对基因组的全基因组, 全外显子组和靶向区域进行测序, 以鉴定与基本生物学功能相关以及和临床相关的DNA变异。迈尔斯实验室的研究人员整合了这些功能基因组学, 表观遗传学和遗传学的数据, 从而了解基因组如何参与和影响癌症, 脑疾病, 肌萎缩侧索硬化症, 出生发育障碍的儿童, 自身免疫性疾病和其他人类疾病。
- Barsh, G.S. and Myers, R.M. (2013). Obituary: David R. Cox 1946-2013. *Nature*. 45: 716. PMID: 23800862
- Pasche, B. and Myers, R. M. (2009). One step forward toward identification of the genetic signature of glioblastoma *JAMA*. 302: 325-326. PMID: 19602695
- Tabor, H. K., Risch, N. J. and Myers, R. M. (2002). OPINION: Candidate gene approaches for studying complex genetic traits: practical considerations. *Nat. Rev. Genet.* 3: 391-397. PMID: 11988764
- Cox, D. R. and Myers, R. M. (1996). A map to the future. *Nature Genet.* 12: 117-118
- Cox, D. R., Green, E. D., Cohen, D., Lander, E., and Myers, R. M. (1994). Assessing mapping progress in the Human Genome Project. *Science*. 265: 2031-2032

